

RUSSIAN ACADEMY OF SCIENCES  
RUSSIAN ENTOMOLOGICAL SOCIETY

**THE PROBLEMS OF ENTOMOLOGY IN RUSSIA**  
**Vol. I**

XI Съезд Русского энтомологического общества  
и издание его трудов поддержаны РФФИ (грант № 97-04-58054)

Главный редактор  
*Г.С. Медведев*

Редколлегия:

*Ю.С. Балашов, С.А. Белокобыльский, А.В. Горохов, Д.Р. Каспарян,  
О.А. Катаев, И.М. Кержнер, Б.А. Коротяев, С.В. Миронов, Э.П. Нарчук,  
О.Г. Овчинникова, В.П. Семьянов, С.Ю. Синёв, С.И. Черныш*

Ответственный редактор  
*В.А. Кривохатский*

**Проблемы энтомологии в России. Сборник научных трудов XI Съезда Русского энтомологического общества (23-26 сентября 1997 г., Санкт-Петербург). Санкт-Петербург. Зоологический институт РАН. 1998. Том I. 243 стр.**

В сборнике публикуются доклады, прочитанные на XI Съезде Русского энтомологического общества, состоявшемся в Санкт-Петербурге 23-26 сентября 1997 г. Съезд был организован при финансовой поддержке РФФИ (Грант № 97-04-58054). В докладах российских и иностранных членов РЭО обсуждаются вопросы всех отраслей фундаментальной и прикладной энтомологии.

## **НОВЫЕ ПОДХОДЫ К РАСШИФРОВКЕ ФИЛОГЕНЕЗА НАСТОЯЩИХ САРАНЧОВЫХ (ORTHOPTERA, ACRIDIDAE)**

**Л.В. Высоцкая, А.Г. Гусаченко, С.А. Киприянова, Е.М. Низовцев,  
М.Л. Филипенко, Д.Ч. Степанова, М.Г. Сергеев**

Новосибирский государственный университет; Новосибирский институт  
биоорганической химии СО РАН; Институт систематики  
и экологии животных СО РАН, Новосибирск

Хорошо известно, что сложность проблемы реконструкции филогенетических отношений разных групп настоящих саранчовых определяется главным образом недостатком палеонтологических данных. Фактически сейчас мы можем использовать для сопоставлений и построения филогенетических схем только рецентный материал. Это приводит к тому, что создаваемые на основе анализа классических морфолого-анатомических признаков схемы противоречивы и неоднозначны.

Современные методы анализа генотипических признаков открывают новые возможности на пути реконструкции филогенеза. Наряду с уже опробованными параметрами, характеризующими кариотип (число хромосом и хромосомных плеч, распределение и размеры блоков гетерохроматина, рекомбинационные свойства), реально использование и молекулярных методов, в частности анализа фрагментов ДНК, полученных с помощью полимеразной цепной реакции со случайными праймерами (СП ПЦР). В докладе обсуждаются первые результаты таких исследований, выполненных в основном на модельных группах голарктических саранчовых (трибы Gomphocerini, Chrysochraontini, Acreppterini, Bryodemini, Podismini).