

Handwritten signature

**ХІІ СЪЕЗД
РУССКОГО ЭНТОМОЛОГИЧЕСКОГО ОБЩЕСТВА**

Санкт-Петербург, 19-24 августа 2002 г.



ТЕЗИСЫ ДОКЛАДОВ

Санкт-Петербург
2002

(*Acanthocinus aedilis* L., *Monochamus urusovi* Fisch., *M. galloprovincialis pistor* Germ., *M. sutor* L., *Rhagium inquisitor* L., *Callidium violaceum* L., *Tetroptium castaneum* L., *Criocephalus rusticus* L., *Pogonocherus fasciculatus* Deg.) и Scolytidae (*Ips acuminatus* Gyll., *I. sexdentatus* Boern., *I. typographus* L., *Xylechinus pilosus* Ratz., *Tomicus piniperda* L., *T. minor* Hart., *Orthotomicus proximus* Eichh., *Xyloterus lineatum* Ol., *Pityogenes chalcographus* L., *Hylastes ater* Payk.).

Обычными видами чешуекрылых в хвойных лесах Прикетья являются *Panolis flammea* Schiff. (семейство Noctuidae), *Bupalus piniarius* L., *Ectropis bistortata* Goeze, *B. crepuscularia* Schiff., *Semiothisa signaria* Hbn., *Ellopija fasciaria* L. (семейство Geometridae), *Orgyia antiqua* L. и *Dasychira abietis* Schiff. (семейство Orgyidae), *Dendrolimus pini* L. и *D. superans sibiricus* Tschtv. (семейство Lasiocampidae), а также *Sphinx pinastri* L. (семейство Sphingidae), *Laspeyresia strobilella* L. (семейство Tortricidae) и *Dioryctria abietella* Schiff. (семейство Pyralididae).

Из перепончатокрылых насекомых на хвойных растениях в Прикетье отмечены *Urocerus gigas* L. (семейство Siricidae), *Acantholyda posticalis* Mtsm. (семейство Pamphiliidae), *Diprion pini* L. и *Neodiprion sertifer* Geoffr. (семейство Diprionidae).

Эволюция молекулярных, цитогенетических и морфологических признаков саранчовых (Orthoptera, Acrididae) Голарктики

Л.В. Высоцкая, О.Н. Гуляева, О.С. Корниенко, М.Г. Сергеев

Новосибирский государственный университет. E-mail: vjsot@fen.nsu.ru

[L.V. Vysotskaya, O.N. Gulyaeva, O.S. Kornienko, M.G. Sergeev. The evolution of molecular, cytogenetic and morphological features in the Holarctic grasshoppers (Orthoptera, Acrididae)]

В настоящее время не существует общепринятой системы, объединяющей многие палеарктические и неарктические виды семейства Acrididae. Кроме того, существуют разногласия по проблеме филогенетических отношений между представителями фауны Евразии. Спорной является монофилия ряда триб и даже родов. Изучение цитогенетических параметров саранчовых добавило новые вопросы, в частности, о скорости формирования тех или иных кариотипических признаков и о возможности их параллельного возникновения.

В настоящей работе предпринята попытка установить родственные отношения более 40 голарктических видов на основе сходства последовательностей нуклеотидов в фрагменте митохондриального гена 16S рибосомной РНК. Стандартными методами были получены дендрограммы сходства нуклеотидных последовательностей. Вместе с результатами подробного цитогенетического анализа и данными эволюционной географии эти дендрограммы были использованы для создания моделей филогенетических отношений в семействе Acrididae.

Созданные модели позволяют обсуждать возможные пути формирования фауны саранчовых Голарктики, оценивать темпы эволюционных преобразований цитогенетических (в первую очередь), молекулярных и морфологических признаков, а также сформулировать предположение о параллельных путях изменений некоторых из изученных признаков в эволюции семейства.

Исследование локальных популяций медоносной пчелы *Apis mellifera* (Hymenoptera, Apidae) южноуральской природно-климатической зоны

Л.М. Гайнутдинова, А.В. Поскряков, А.Г. Николенко

Институт биохимии и генетики УНЦ РАН, Уфа. E-mail: nikolenko@anrb.ru

[L.M. Gaynutdinova, A.V. Poskryakov, A.G. Nikolenko. The study of local populations of *Apis mellifera* (Hymenoptera, Apidae) in the South-Ural climatic zone]

Южно-уральская популяция медоносной пчелы неоднородна, состоит из пчел среднерусской расы, южных рас и межрасовых гибридов. В настоящее время сохранились две области обитания пчел среднерусской расы – в Бурзянском и Янаульском районах. В других районах Южного Урала обитают как пчелы среднерусской расы, так и пчелы южных рас, и межрасовые гибриды.

Целью данной работы было изучение генетической структуры популяции медоносной пчелы на Южном Урале методом RAPD-PCR. В ходе исследований были выявлены полиморфные